

Сведения о научном руководителе
диссертации Жариковой Анастасии Александровны
«Биоинформатический анализ РНК-хроматиновых взаимодействий»

Научный руководитель: Миронов Андрей Александрович

Ученая степень: доктор биологических наук

Ученое звание: профессор

Должность: профессор факультета биоинженерии и биоинформатики

Место работы: Факультет биоинженерии и биоинформатики Федерального государственного бюджетного образовательного учреждения высшего образования «Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова»

Адрес места работы: 119243, г. Москва, Ленинские горы, дом 1, стр. 73

Тел.: +7 (495) 939-41-95

E-mail: mironov@bioinf.fbb.msu.ru

Список основных научных публикаций по специальности 03.01.09 – Математическая биология, биоинформатика за последние 5 лет: (указываем не менее 5)

1. Ilnitskiy, I. S., Zharikova, A. A., & Mironov, A. A. (2022). OrthoQuantum: visualizing evolutionary repertoire of eukaryotic proteins. Nucleic acids research, gkac385. Advance online publication. <https://doi.org/10.1093/nar/gkac385>
2. Ryabykh, G. K., Mylarshchikov, D. E., Kuznetsov, S. V., Sigorskikh, A. I., Ponomareva, T. Y., Zharikova, A. A., & Mironov, A. A. (2022). Molekuliarnaia biologiya, 56(2), 275–295.
3. Mendelevich, A., Vinogradova, S., Gupta, S., Mironov, A. A., Sunyaev, S. R., & Gimelbrant, A. A. (2021). Replicate sequencing libraries are important for quantification of allelic imbalance. Nature communications, 12(1), 3370.
4. Samborskaia, M. D., Galitsyna, A., Pletenev, I., Trofimova, A., Mironov, A. A., Gelfand, M. S., & Khrameeva, E. E. (2020). Cumulative contact frequency of a chromatin region is an intrinsic property linked to its function. PeerJ, 8, e9566.
5. Gavrilov, A. A., Zharikova, A. A., Galitsyna, A. A., Luzhin, A. V., Rubanova, N. M., Golov, A. K., Petrova, N. V., Logacheva, M. D., Kantidze, O. L., Ulianov, S. V., Magnitov, M. D., Mironov, A. A., & Razin, S. V. (2020). Studying RNA-DNA interactome by Red-C identifies noncoding RNAs associated with various chromatin types and reveals transcription dynamics. Nucleic acids research, 48(12), 6699–6714.
6. Potashnikova, D. M., Golyshev, S. A., Penin, A. A., Logacheva, M. D., Klepikova, A. V., Zharikova, A. A., Mironov, A. A., Sheval, E. V., & Vorobjev, I. A. (2018). FACS Isolation of Viable Cells in Different Cell Cycle Stages from Asynchronous Culture for RNA Sequencing. Methods in molecular biology (Clifton, N.J.), 1745, 315–335.
7. Simovski, B., Kanduri, C., Gundersen, S., Titov, D., Domanska, D., Bock, C., Bossini-Castillo, L., Chikina, M., Favorov, A., Layer, R. M., Mironov, A. A., Quinlan, A. R., Sheffield, N. C., Trynka, G., & Sandve, G. K. (2018). Coloc-stats: a unified web interface to perform colocalization analysis of genomic features. Nucleic acids research, 46(W1), W186–W193.

Ученый секретарь

диссертационного совета МГУ.03.04,

И.В. Шаповалова

Подпись, печать